

フラグメント解析

キャピラリーシーケンサーはサンガー法によるDNAシーケンス解析だけではなく、フラグメント解析にも使用されています。一口にフラグメント解析といってもそのアプリケーションはマイクロサテライト解析、キメリズム解析、コピー数解析(MLPA法)、メチル化解析、SNP解析など多岐に渡ります。

本説明会ではサーモフィッシャーサイエンティフィック社から講師をお迎えし、フラグメント解析の様々なアプリケーションについて解説して頂きます。皆様のお申込をお待ちしております。

日時：2023年8月1日(火) 15:30-16:45

開催形態：オンライン(Zoom)

申込方法：以下のURLからお申込みください。

<https://forms.gle/NA5JSa9uEuS9Niqn8>

締切：2023年7月31日(月) 13:00

締め切り後、申込者全員にZoom接続情報等をメールでお知らせします。

- * 遺伝情報解析室が提供するDNAシーケンス受託解析は京都大学内限定サービスですが、本セミナーは学外の方も参加可能です。
- * 本セミナーはホスト側で録画いたします。録画に問題がなければ日時を変えて放映いたします。録画をHPや動画サイトに掲載する予定はありません。



申込

=== 本説明会に関する連絡・問い合わせ先 ===

京都大学大学院医学研究科 医学研究支援センター 遺伝情報解析室

メール：infoseq@support-center.med.kyoto-u.ac.jp

URL：http://support-center.med.kyoto-u.ac.jp/SupportCenter/dna

この説明会は「令和5年度
医学研究技術実習」
受講時間にカウントされます
受講時間：2時間



HP

連絡用
メール
アドレス